

令和6年度 リカレント教育講座

オンライン開催  
(ZOOMを使用)

## 生物統計とデータ解析

“実践的な生物統計解析の手法”を学ぶ！

近年の遺伝子の読み取り技術の飛躍的な進展は、医学、健康科学、食品生産、環境科学など様々な分野で、大きな発展をもたらしています。これらの膨大な遺伝子データを解析するためには、複雑な統計学的手法の理解が必須です。本講座では、遺伝情報に関わる実践的な統計学、およびその解析法を理解し、データリテラシーの向上を目指します。

対象

日程

一般の方

2025年1月9日(木)～1月24日(金) 全15回

学生向け講義と同一授業です

### 講義日程

#### 次世代シーケンサーデータの統計処理の基礎

講師 半田 佳宏 群馬大学客員教授 株式会社生物技研 取締役

1月 9日(木)	12:40～14:10	第1回	次世代シーケンサーとその技術
	14:20～15:50	第2回	アンプリコン解析
1月10日(金)	12:40～14:10	第3回	ゲノム解析とメタゲノム解析
	14:20～15:50	第4回	リシーケンシングとエピジェネティクス解析
	16:00～17:30	第5回	ジェノタイピング解析
1月16日(木)	12:40～14:10	第6回	RNaseq解析
	14:20～15:50	第7回	ISO-seq解析と生物情報学の学び方

#### 具体的な解析手法の実例

講師 石井 俊一 群馬大学客員教授 国立研究開発法人海洋研究開発機構 主任研究員

1月17日(金)	12:40～14:10	第8回	環境微生物と情報学
	14:20～15:50	第9回	メタゲノムによる微生物群集構造解析
	16:00～17:30	第10回	メタゲノムからの培養を介さないゲノム抽出法
1月23日(木)	12:40～14:10	第11回	MAGを用いた機能解析
	14:20～15:50	第12回	電気微生物と情報学
	16:00～17:30	第13回	刺激応答型メタトランスクリプトーム解析
1月24日(金)	12:40～14:10	第14回	比較ゲノミクス
	14:20～15:50	第15回	マルチメタオミックスの最新の動向

申込締切：1月5日(日)

受講料：9,000円

受講申し込みはこちら⇒



【お問合せ】

〒371-8510

群馬県前橋市荒牧町4-2

国立大学法人群馬大学

研究推進部産学連携推進課 荒牧センター事務局

☎：027-220-7449

✉：shokukenkou-c@ml.gunma-u.ac.jp

※電子メールでご連絡いたします

URL：<https://forms.gle/YhRbiomoUvb1q1SL8>